

## Assay Performance Data Sheet

Test naam	<b>UGT1A1 gen c.A(TA)7TAA(*28) [aanwezigheid] in bloed of weefsel m.b.v. moleculair genetische methode.</b>
LOINC-code	72508-5
Methode 1	Smeltcurve analyse (Roche LightCycler)
Methode 2	-
Traceerbaarheid:	Sanger sequencing
Frequentie bepaling	1x per week
Referentiewaarden	<b>Caucasiërs:</b> 34% normaal, 55% intermediair, 11% traag metabolisme; <b>Afrikanen:</b> 32% normaal, 45% intermediair, 23% traag metabolisme; <b>Aziaten:</b> 70% normaal, 28% intermediair, 2% traag metabolisme.
Interpretatie	<b>Normaal metabolisme:</b> 2 actieve allelen; <b>Intermediair metabolisme:</b> 1 actief, 1 verminderd actief allel; <b>Traag metabolisme:</b> 2 verminderd actieve allelen
Toelichting	<b>Actieve allelen:</b> *1 (default, TA6); <b>Verminderd actieve allelen:</b> *28 (TA7)
Stabiliteit monster	<b>Bloed:</b> minimaal 5 dagen 4 °C (koelkast) -> verzenden kamertemperatuur; ingevroren: stabiel voor jaren. <b>Wangslimvlies:</b> maximaal 3 dagen (kamertemperatuur)
Detectielimieten	Detectie van >95% van alle genetisch bepaalde trage metaboliseerders. Vertraagd metabolisme als gevolg van zeldzame(re) mutaties kan niet worden uitgesloten.
Imprecisie	<0.01%
Meetbereik	1 SNPs
Extern QC programma	RfB
Kwaliteitsborging	Pos en neg controles moeten goed zijn. Juiste scores in externe kwaliteitsronde. Monster wordt in duplo bepaald.
Opgesteld door:	Prof Dr RHN van Schaik / 08-01-2019